



Europejski program selekcji genomowej

Od marca 2010 r. rozpoczął swoją działalność program EuroGenomics, łącząc ponad 16 tysięcy buhajów w tzw. bazie referencyjnej. Jest to największa na świecie populacja referencyjna w tego typu programie, przewyższająca o kilka tysięcy bazę utworzoną wspólnie przez USA i Kanadę.

Selekcja genomowa buhajów i jej wykorzystanie w praktyce hodowlanej nabiera coraz większego przyspieszenia. Podstawą zwiększenia wiarygodności wycen buhajów tą nową, rewolucyjną metodą jest stworzenie odpowiednio licznej populacji referencyjnej. Dlatego też jesienią 2009 r. powstał

w Europie międzynarodowy program EuroGenomics, którego partnerzy doszli do porozumienia w sprawie współpracy i pełnej wymiany informacji dotyczących wycen genomowych, markerów genetycznych i tzw. chipów DNA do oceny genomu zwierząt. W programie tym uczestniczą: Viking Genetics (wspólna organizacja spółdzielni hodowlanych ze Szwecji, Danii i Finlandii), UNCEIA – reprezentant firm hodowlanych z Francji, CRV/Holland Genetics z Holandii oraz dwie organizacje z Niemiec – DHV (Niemiecki Związek Hodowców Bydła HF) i VIT (największa niemiecka organizacja zajmująca się gromadzeniem, przetwarzaniem i udostępnianiem danych hodowlanych zwierząt gospodarskich).

Od marca 2010 r. program EuroGenomics rozpoczął praktycznie swoją działalność, łącząc ponad 16 tysięcy buhajów w tzw. bazie referencyjnej. Jest to największa na świecie populacja referencyjna w tego typu programie, przewyższająca o kilka tysięcy bazę utworzoną wspólnie przez USA i Kanadę. Jej wartość podnosi także wyjątkowa jakość tej populacji, gdyż wszyscy partnerzy EuroGenomics realizują programy hodowlane oparte na najlepszej puli genowej rasy HF z Europy i Ameryki Północnej. Dlatego też odzwierciedla ona bardzo dobrze różnorodność międzynarodowej genetyki rasy holsztyńsko-fryzyskiej.

Wycena genomowa buhajów łączona jest z informacjami gromadzonymi metodami tradycyjnymi. Zawierają one nie tylko dane dotyczące produkcji mleka, ale także cech funkcjonalnych – w tym płodności i chorób wymion. Jest to doskonałe uzupełnienie oceny genomowej, podnoszące wiarygodność wyceny buhajów – populacja pochodząca od rozptodników zakwalifikowanych do programu EuroGenomics liczy aż 19 milionów krów! Takie łączenie informacji jest kluczem do uzyskiwania maksymalnej wiarygodności wycen.

Nowe metody wprowadzane w hodowlę bydła wymagają też nowych uregulowań prawnych. Aktualnie za sprawy szacowania wartości hodowlanych odpowiedzialna jest organizacja Interbull, przygotowująca międzynarodowe wyceny buhajów dla 27 krajów. Dlatego tak ważne jest uznanie przez nią wartości oceny genomowej zwierząt, będącej rewolucją w światowej hodowlę bydła. Wysoka jakość wycen hodowlanych buhajów w oparciu o ocenę ich genomu, bazująca na populacji ponad 16.000 rozptodników z programu EuroGenomics, zostanie potwierdzona przez Interbull już w najbliższej weryfikacji dla krajowych systemów



Elly Geverink

wycen genomowych. Można sądzić, że przyspieszy to i poszerzy dostępność młodych buhajów, których wartość oszacowano tylko w oparciu o ocenę genomową bez tradycyjnego testowania na córkach. Nasienie takich 12-14 - miesięcznych buhajów dostępne jest np. w Holandii od połowy 2008 r., jest ono eksportowane również do innych krajów europejskich, otwartych na nowe metody dające farmerom możliwość szybszego postępu hodowlanego. Program EuroGenomics jest doskonałym przykładem efektywnej współpracy pomiędzy krajami europejskimi, łączącymi swoją siłę i wiedzę w celu realizacji wspólnej sprawy. Jest też dowodem na to, że w erze postępującej globalizacji krajowe programy hodowlane są zbyt małe, a dalszy postęp wymaga współdziałania wielu organizacji wiodących w światowej hodowlę bydła mlecznego.

Aleksander Osten-Sacken